2011G-674, BL26B1/2011A-1882

好冷化変異体ウリカーゼの予備的 X 線結晶構造解析 Preliminary X-ray Crystallization of Psychrophilic Mutant of Uricase

日竎隆雄1*, 伊藤貴文1, 西矢芳昭2

¹福井県立大学生物資源学部、〒910-1195 福井県吉田郡永平寺町松岡兼定島 4-1-1 ²摂南大学理工学部 〒572-8508 大阪府寝屋川市池田中町 17-8

1 はじめに

好冷性酵素は、一般に 15-20℃以下の温度領域で 高い活性を示す酵素を指し、様々な分野での産業応 用が期待される[1]。一般に、好冷性生物由来の酵素 は不安定であり、これまで遺伝子工学的な手法によ る好冷性酵素の熱安定性化[2]や耐熱性酵素の低温適 応化が検討されたが、50℃以上での高い熱安定性を 持ち、且つ 20℃以下で十分高い活性を示す変異体 酵素は得られていなかった。活性化エンタルピーが 小さいという好冷性酵素の特徴は、遷移状態の安定 化に寄与するタンパク質構造の柔軟性の増大として しばしば説明され、それ故熱安定性が犠牲にされる と解釈されてきた[3]が、耐熱性酵素と好冷性酵素の 構造上の違いについて決定的な要素は未だ知られて いない。また、酵素の不安定性と低温活性の間で厳 密な直線的関係は成立せず[4]、高い安定性と低温活 性の両立が可能かどうかは未解決であった。

我々は、Bacillus sp.由来尿酸酸化酵素(bUOD)のインターフェースループ II (277-300) に着目し、その結晶構造に基づいてアミノ酸 2 残基を選択的に改変することで、至適温度 45^{\mathbb{C}}の野性型酵素に対して至適温度が 30^{\mathbb{C}}に大きく低下した変異体酵素W279L+P287G を得た[5]。本変異体は、野性型酵素と同様 65^{\mathbb{C}}近傍まで熱安定性を保つことも CD 測定などから示された。その好冷化の分子基盤を明らかにするため、X 線結晶構造解析に取り組んでいる。今回は予備的測定の結果について報告する。

2 実験

結晶化は、ハンギングドロップ蒸気拡散法を用い、20 $^{\circ}$ で行った。リザーバーの初期溶液組成は、15%(w/v) PEG8000, 0.1 M Tris-HCl pH 8.0, 1 mM 9-methyluric acid, 0.04 M Na_2SO_4 とした。

X 線回折強度測定は SPring-8 ビームライン BL26B1 で行った。結晶は、10% PEG400 をリザーバー液に添加したクライオ溶液に浸した後、100K 窒素ガス雰囲気下で凍結させて測定に供した。

3 結果および考察

得られた 2.6Å分解能回折強度データセットの統計値を表 1 に示した。野性型酵素の構造(1j2g)を用いた分子置換法により初期位相を求めた。精密化はccp4を用い、精密化の結果 R=0.19 $R_{free}=0.25$ の構造モデルを得た。本モデルは野性型酵素と比較した

場合、主鎖間の RMSD は 0.48 Åであり (図 1)、顕著な構造変化はインターフェースループ II 間にのみ認められた。さらに高分解能データを得るため、結晶化温度など諸条件の検討を続行している。

表1:回折強度データ収集の統計値

Space group	$P2_{1}2_{1}2$
Dimensions [Å]	a = 132.34, b = 142.24,
	c = 70.56
Resolution	2.6 Å
Total No. of reflections	202,023
No. of unique reflections	41,095
Completeness [%]	97.9 (98.9)
$R_{ m merge}$	0.104 (0.377)
$\langle I/\sigma \rangle$	17.3 (3.7)

図1: W297L+P287G 変 異体(緑)と野性型(赤)と の立体構造比較(主鎖 Cα原子リボンモデルの重 ね合わせ)



謝辞

今回の測定の機会をご提供していただいた SPring8/JASRI スタッフの皆様に厚く御礼を申し上 げます。また、震災による復旧作業で忙しいに関わ らず、尽力していただいた PF スタッフにも心より 感謝申し上げます。

参考文献

- [1] Fller & Gerday (2003) Nature Reviews, 1, 200-8; Yamagishi (2006) Netsu Sokutei, 33, 2-9
- [2] D'Amico et al. (2001) J. Biol. Chem., **276**, 25791-6.
- [3] D'Amico et al. (2003) J. Biol. Chem., 278,
 7891-6; Cavicchioli et al. (2006) Methods Microbiol., 35, 395-436.
- [4] Wintrode et al. (2000) J. Biol. Chem., 275, 31635-40.
- [5] Nishiya & Hibi (2010) 日本農芸化学会大会講演要旨集, 167.
- * hibi@fpu.ac.jp