

中迫雅由



細胞内発生事象の時系列かつ高空間分解能観察



- 分子生理学: 特定分子の細胞内動態、運動



(B)

100 μm

5 μm

Molecular Biology of the Cell



電子顕微鏡による一粒子解析・三次元トモグラフィー 大きな散乱断面積

Epsilon15ファージ内でのDNA収納







X線用の万能レンズが無いので、情報科学の力を借りる

スペックルパターンから像回復するアルゴリズム: 位相回復+オーバーサンプリング



結晶化が絶望的な非結晶物質の構造研究



Figure 15. A simple model of a liquid of hard spheres (upper part) compared with the regular array of a hard sphere crystal (lower part), as modelled by Bernal (1964).

Finney (2004) Phil. Trans. B Roy. Soc. London

・生体分子集合体、
細胞内小器官や細胞の
構造解析
(100 nm – μmサイズ)

- ・相転移点での物質構造
- 物質界面の構造
- ・複雑液体の構造
- 巨視的量子効果を示す 量子液体の構造

量子コヒーレンス 巨視的原子波動関数

生体超分子集合体、細胞内小器官の立体構造解析

百ナノメートル~マイクロメートルの非結晶生体粒子、サブμm~nm分解能構造解析





) 基板固定試料の連続走査実験

XFELビームと走査中微小試料セル 相対位置関係を高精度で保証 位置安定性が大変重要

- ・ 定盤上の振動源に対する対策
- 精密定盤本体の質量大
- ・内部、周辺からの振動に強く安定



2次元Kratky光学系



水和試料の散乱実験シミュレーション (in preparation、坂本・中迫)



Each reconstructed image corresponds well with the projected figure along the direction of incident beam.

従来の単粒子解析法の問題点

- 1. 実際の実験では、照射野に複数の生体粒子が存在する可能性がある。
- 2. 生体粒子が照射ビーム中心に必ず位置する保証が無い。
- 3. 溶媒である水からの散乱の影響を無視できない。

